

CARACTERIZACIÓN ISOENZIMÁTICA DE COLONIAS DE LABORATORIO DE *Catolaccus grandis* Y *Catolaccus hunteri* (HYMENOPTERA: PTEROMALIDAE)

**C. SILVIA ZEPEDA CISNEROS¹, ANTONIO GONZÁLEZ RODRÍGUEZ²,
ALBERTO KEN OYAMA², NINA M. BÁRCENAS ORTEGA¹,
T. ANGEL KATO YAMAKAKE¹**

¹Colegio de Postgraduados-IREGEP; 56230 Montecillo, Edo. de México, MÉXICO

²Instituto de Ecología, UNAM; Morelia, Mich., MÉXICO

RESUMEN Se caracterizaron isoenzimáticamente varias colonias de laboratorio de *Catolaccus grandis* y *C. hunteri*, parasitoides del “picudo del algodón” *Anthonomus grandis*, y la segunda también del “picudo del chile” *A. eugenii* y del “picudo de la acerola” *A. macromalus* (Coleoptera: Curculionidae). Ocho de las 9 colonias analizadas forman parte del Banco de Germoplasma del Colegio de Postgraduados y fueron recolectadas en México en los estados de Sinaloa, Nayarit, Colima, Chiapas, Tabasco y Quintana Roo; los parasitoides se obtuvieron de *A. grandis*, *A. hunteri* y *A. eugenii*, recolectados de las malváceas *Gossypium hirsutum* (cultivado y silvestre), *Hampea nutricia* y *H. trilobata*, y en la solanácea *Capsicum annuum*. El análisis incluyó también una colonia de *C. grandis* fundada en Texas a partir de avispas recolectadas en Mesoamérica. Las enzimas GPDH, G6PDH, GOT, IDH y ME resultaron monomórficas inter e intraespecíficamente. La enzima MDH presentó un alelo único y distintivo para las diferentes especies de *Catolaccus* estudiadas. La enzima PGI fue monomórfica en *C. grandis* y polimórfica en *C. hunteri*, cada especie presenta alelos diferentes y la colonia de *C. hunteri* de Nayarit presenta un alelo que la distingue del resto de las colonias analizadas. La única enzima polimórfica intraespecíficamente fue PGM, la cual mostró los mismos tres alelos en ambas especies, el alelo más frecuente es distinto en cada una de ellas.

DESCRIPTORES: Marcadores moleculares, Sistemática, parasitoides, control biológico

ABSTRACT Several laboratory colonies of *Catolaccus grandis* and *C. hunteri*, parasitoids of the cotton boll weevil *Anthonomus grandis* and the latter also of the pepper weevil *A. eugenii* and the acerola weevil *A. macromalus* (Coleoptera: Curculionidae) were isozymatically characterized. Eight colonies belong to the Germoplasm Bank established at the Colegio de Postgraduados, and were collected in Mexico in the states of Sinaloa, Nayarit, Colima, Chiapas, Tabasco and Quintana Roo. Parasitic species emerged from *A. grandis*, *A. hunteri* or *A. eugenii* weevils collected on the malvaceans *Gossypium hirsutum* (wild and cultivated), *Hampea nutricia* and *H. trilobata*, and the solanacean *Capsicum annuum*. A *C. grandis* lab colony established in Texas from wasps collected in Mesoamerica was also included in the isozyme analysis. The enzymes GPDH, G6PDH, GOT, IDH y ME were monomorphic in both species. MDH showed a distinct and unique allele in each species. PGI was monomorphic in *C. grandis* and polymorphic in *C. hunteri*. Each species shows different alleles and the *C. hunteri* colony from Nayarit has an allele that distinguish it from the rest of the colonies analyzed. PGM is the only intraspecific polymorphic enzyme and shows the same three alleles in both species, the most frequent allele being different in each of them.

KEY WORDS: Molecular markers, Systematics, parasitoids, biological control